

페이지	위치	내용
14	표 0.6.2	표 0.6.2에서 $\sin(x)$ 함수 -> $\sin(x)$ 함수
22	2,3번째 줄	"연속한 두 값 사이에 실수가 존재하지 않는 변수" -> "연속한 두 값 사이에 실수가 항상 존재하는 변수"
38	아래에서 3번째 줄	$\log 500 \rightarrow \log(500,10)$ 으로 수정함.
40	3째 줄	$138/500=0.2760$ 이다. 0.2776->0.2760 에 100을 곱하면~
41	본문 5번째 줄	반올림에 의하여 실제값이 28보다 약간 크거나 32보다 약간 작은 값도 포함할 수 있다. => 반올림에 의하여 실제값이 28보다 약간 작거나 32보다 약간 큰 값도 포함할 수 있다.
48	예제 2.4.3 풀이	중위수는 $(500+1)/2$ 번째로 큰 값으로, 34이다 => 총 500개의 데이터가 있으므로, 중위수는 250, 251번째로 큰 값의 평균이다.
55	그림부분	그림 번호: 그림 2.5.1 => 그림 2.5.2
56	밑에서 3째 줄	$(1-0.4)X_{(4)} + 0.4X_{(5)} = (1-0.4)33 + 0.4X_{(5)}33=33$
56	2째 줄	r번째로 큰 관측값 -> r번째로 작은 관측값
78	예제 3.3.9	$P(E_2 \text{ 교집합 } B) \Rightarrow P(E_1 \text{ 교집합 } B) ; P(E_3 \text{ 교집합 } C) \Rightarrow P(E_1 \text{ 교집합 } C) ; P(E_4 \text{ 교집합 } D) \Rightarrow P(E_1 \text{ 교집합 } D)$
78	예제 3.3.9	$P(E_1 \text{ 교집합 } A) + P(E_2 \text{ 교집합 } B) + P(E_3 \text{ 교집합 } C) + P(E_4 \text{ 교집합 } D) \Rightarrow P(E_1 \text{ 교집합 } A) + P(E_1 \text{ 교집합 } B) + P(E_1 \text{ 교집합 } C) + P(E_1 \text{ 교집합 } D)$
90	밑에서 7째 줄	$P(X < 2) = 0.3412 \rightarrow P(X < 2) = 0.3421$
91	예제 4.1.8, 풀이	$\sigma^2 = (0-\mu)^2(0.3421) \rightarrow \sigma^2 = (1-\mu)^2(0.3421)$
107	그림 4.5.2	그림 c의 x값 표시 들에 σ 누락 (3 \rightarrow 3 σ)
111	밑에서 5째 줄	이 값은 0.0054이므로, \rightarrow 이 값들은 각각 0.9946, 0.0054이므로,
121	18번 문제	이항전개된 식의 i번째 항이 => 이항전개된 식의 i+1번째 항이
127	밑에서 4째 줄	표집분포를 \rightarrow 표집분포를
130	그림 5.2.1의 모집단분포 그래프	x값이 15,25,35,45에는 도수가 0이어야 함 (해당값에서 막대그래프가 없어야함)
153	첫번째 문장	"통계적 추론은 추정과 가설검정으로 이루어지며, 다음과 같이 정의한다 => "통계적 추론은 추정과 가설검정으로 이루어지며, 이 중에서 추정은 다음과 같이 정의한다.
157	마지막 줄	10개의 표본평균의 추정값 중에서 $x_1_bar, x_2_bar, \dots, x_9_bar, x_{10_bar}$ 는 구간 \Rightarrow 10개의 표본평균의 추정값 중에서 x_9_bar 를 제외한 $x_1_bar, x_2_bar, \dots, x_8_bar, x_{10_bar}$ 는 구간
161	예제 6.2.4 문제	모분산은 15라고 => 모분산은 20이라고
165	마지막	많은 연구자들은 모집단이 확률 \sim 많은 연구자들은 모집단의 확률 \sim
173	밑에서 두번째 줄	표준오차는 $\text{sig.p_hat} = \sqrt{p_hat(1-p_hat)/n} \Rightarrow$ 표준오차는 $\text{sig.p} = \sqrt{p(1-p)/n}$
185	밑에서 4째 줄	"F-분포의 확률밀도함수와 x-축, y-축의 수직선으로 둘러싸인" => "F-분포의 확률밀도함수와 x-축, x-축의 수직선으로 둘러싸인"
185	두번째 문단 마지막 줄 (15번째 줄)	또한 두 표본분산에서 그 값이 큰 표본분산을 s_1^2 , 크기가 작은 표본분산을 s_2^2 이라고 하자 => 삭제
186	위에서 3번째	확률밀도함수, x축, y축의 수직선으로 둘러싸인 => 확률밀도함수, x축, x축의 수직선으로 둘러싸인
214	식 7.3.1의 하단	식 7.3.1의 아래에 다음 문장 추가: $(\mu_1 - \mu_2)_0$ 은 영가설이 참이라는 가정하에서 $\mu_1 - \mu_2$ 을 의미함.
226	(9) 결론	영가설을 기각하지 못했기 때문에 두 비율은 아마도 동일한 것으로 결론을 내릴 수 있다 => 영가설을 기각하지 못했기 때문에 공복혈당장애를 앓고 있는 사람의 모비율은 6.3% 이하가 아니라고 말할 충분한 근거가 없다
242	문제 13	179명의 감기 환자에게 비타민 C를 처방한 뒤에 다음의 결과를 얻었다 => 179명의 감기 환자에게 비타민 C 혹은 위약을 처방한 뒤에 다음의 결과를 얻었다
262	14째 줄	즉, 실험설계에서 처리는 비교하고자 수준을 관측값으로 갖는 변수를 의미한다 -> 즉, 실험설계에서 처리는 비교하고자 하는 수준을 관측값으로 갖는 변수를 의미한다
273	예제 8.3.1, 풀이 2	1행 1열의 관측값은 7은 => 1행 1열의 관측값은 11은
275	그림 8.3.1의 R코드	<code>age <- factor(rep(1:5, each=3)) => age <- factor(rep(1:5, 3))</code>
285	그림 8.4.3	sas 결과 중 a와 b의 결과가 뒤 바뀜
294	밑에서 2째 줄	"만약 회귀방정식을 이용하여 종속변수를 추정(estimate)한다는 말의 의미는, 주어진 X값을 이용하여 Y의 부분모집단의 평균을 추정하는 것을 의미한다." 에서 맨 앞의 '만약'을 빼야 할 것 같습니다.
304	그림 9.3.3	$y_hat = 91.49 \Rightarrow y = y_bar = 91.49$ (y의 수평선 바로 위로 위치 변경)
315	그림 9.3.8	잔차 그림이 잘못되어 있음
323	표 9.6.1	18번째 샘플의 cda값이 6->"-6"으로 수정함.
330	밑에서 3번째 줄	$\beta_1^{\hat{}} \Rightarrow \beta_j^{\hat{}}$
333	아래에서 5번째 줄	y의 예측값이 0.35 -> 0.311로 수정함.
337	그림 9.9.2	cor(dat)의 결과 창에서 obs, sbp, weight, bmi의 앞에 탭을 추가하여 열을 맞춰야 함.
349	그림 9.10.5의 Coefficients 표	<code>age:treatment => age: treatmentB</code>
379	식 10.4.6	$X_{r\{12,y\}} \Rightarrow r_{\{12,y\}}$
380	그림 10.4.3	두번째와 세번째 명령어의 순서가 뒤바뀜. X2, x1, y 순서로 편상관계수 코드로 수정함.
394	통계적 결정 설명 부분	카이제곱분포의 임계값은 11.071 -> 11.070 으로 수정함.
425	SAS 코드 오류	sas 결과가 알파벳 순으로 결과를 report하기 때문에 nonsmoke, smoke 순으로 결과가 계산되기 때문에 오즈비가 역수로 계산되었음. 이를 다시 수정하여, 오즈비가 6.60이 되도록 수정이 필요함 (그림 수정 요망)